

Homo sapiens G protein-coupled receptor 63 (GPR63) in pcDNA3.1+
Sequence Range: 1 to 1374

```

              >KpnI                      >EcoRI
              |                          |
    >Asp718I  >BamHI                    >BstXI
      |      |      |                    |
      10     20     30                   40     50
CTTAGCTTGGTACCGAGCTCGGATCCACTAGTCCAGTGTGGTGAATTCA

      60      70      80      90     100
CCATGGTCTTCTCGGCAGTGTGACTGCGTTCCATACCGGGACATCCAAC
  M V F S A V L T A F H T G T S N>
      _____GPR63_____>

      110     120     130     140     150
ACAACATTTGTCGTGTATGAAAACACCTACATGAATATTACACTCCCTCC
  T T F V V Y E N T Y M N I T L P P>
      _____GPR63_____>

      160     170     180     190     200
ACCATTCCAGCATCCTGACCTCAGTCCATTGCTTAGATATAGTTTTGAAA
  P F Q H P D L S P L L R Y S F E>
      _____GPR63_____>

      210     220     230     240     250
CCATGGCTCCCACTGGTTTGAGTTCCTTGACCGTGAATAGTACAGCTGTG
  T M A P T G L S S L T V N S T A V>
      _____GPR63_____>

      260     270     280     290     300
CCCACAACACCAGCAGCATTTAAGAGCCTAAACTTGCCTCTTCAGATCAC
  P T T P A A F K S L N L P L Q I T>
      _____GPR63_____>

      310     320     330     340     350
CCTTTCTGCTATAATGATATTCATTCTGTTTGTGTCTTTTCTTGGAAGT
  L S A I M I F I L F V S F L G N>
      _____GPR63_____>

      360     370     380     390     400
TGGTTGTTTGCCTCATGGTTTACCAAAAAGCTGCCATGAGGTCTGCAATT
  L V V C L M V Y Q K A A M R S A I>
      _____GPR63_____>

      410     420     430     440     450
AACATCCTCCTTGCCAGCCTAGCTTTTGCAGACATGTTGCTTGCAGTGCT
  N I L L A S L A F A D M L L A V L>
      _____GPR63_____>

      460     470     480     490     500
GAACATGCCCTTTGCCCTGGTAACTATTCTTACTACCCGATGGATTTTTTG
  N M P F A L V T I L T T R W I F>
      _____GPR63_____>

```

```

          510          520          530          540          550
GGAAATTCTTCTGTAGGGTATCTGCTATGTTTTTCTGGTTATTTGTGATA
G K F F C R V S A M F F W L F V I>
_____GPR63_____>

          560          570          580          590          600
GAAGGAGTAGCCATCCTGCTCATCATTAGCATAGATAGGTTCTTTATTAT
E G V A I L L I I S I D R F L I I>
_____GPR63_____>

          610          620          630          640          650
AGTCCAGAGGCAGGATAAGCTAAACCCATATAGAGCTAAGGTTCTGATTG
V Q R Q D K L N P Y R A K V L I>
_____GPR63_____>

          660          670          680          690          700
CAGTTTCTTGGGCAACTTCCTTTTGTGTAGCTTTTCCTTTAGCCGTAGGA
A V S W A T S F C V A F P L A V G>
_____GPR63_____>

>nt660_G->A_(silent)
          710          720          730          740          750
AACCCCGACCTACAGATACCTTCCCGAGCTCCCCAGTGTGTGTTTGGGTA
N P D L Q I P S R A P Q C V F G Y>
_____GPR63_____>

          760          770          780          790          800
CACAAACCAATCCAGGCTACCAGGCTTATGTGATTTTGATTCTCTCATT
T T N P G Y Q A Y V I L I S L I>
_____GPR63_____>

          810          820          830          840          850
CTTTCTTCATACCCTTCCTGGTAATACTGTACTCATTTATGGGCATACTC
S F F I P F L V I L Y S F M G I L>
_____GPR63_____>

          >BamHI
          860          870          880          890          900
AACACCCTTCGGCACAATGCCTTGAGGATCCATAGCTACCCTGAAGGTAT
N T L R H N A L R I H S Y P E G I>
_____GPR63_____>

          >BstXI
          910          920          930          940          950
ATGCCTCAGCCAGGCCAGCAAACCTGGGTCTCATGAGTCTGCAGAGACCTT
C L S Q A S K L G L M S L Q R P>
_____GPR63_____>

          960          970          980          990          1000
TCCAGATGAGCATTGACATGGGCTTTAAAACACGTGCCTTCACCACTATT
F Q M S I D M G F K T R A F T T I>
_____GPR63_____>

```

```

                                >ApaI
                                |
      1010      1020      1030      1040      1050
TTGATTCTCTTTGCTGTCTTCATTGTCTGCTGGGCCCCATTCACTTA
  L  I  L  F  A  V  F  I  V  C  W  A  P  F  T  T  Y>
_____GPR63_____>

      1060      1070      1080      1090      1100
CAGCCTTGTGGCAACATTCAAGTAAGCACTTTTACTATCAGCACAACTTTT
  S  L  V  A  T  F  S  K  H  F  Y  Y  Q  H  N  F>
_____GPR63_____>

      1110      1120      1130      1140      1150
TTGAGATTAGCACCTGGCTACTGTGGCTCTGCTACCTCAAGTCTGCATTG
  F  E  I  S  T  W  L  L  W  L  C  Y  L  K  S  A  L>
_____GPR63_____>

      1160      1170      1180      1190      1200
AATCCGCTGATCTACTACTGGAGGATTAAGAAATTCCATGATGCTTGCCT
  N  P  L  I  Y  Y  W  R  I  K  K  F  H  D  A  C  L>
_____GPR63_____>

      1210      1220      1230      1240      1250
GGACATGATGCCTAAGTCCTTCAAGTTTTTGGCCGAGCTCCCTGGTCACA
  D  M  M  P  K  S  F  K  F  L  P  Q  L  P  G  H>
_____GPR63_____>

      1260      1270      1280      1290      1300
CAAAGCGACGGATACGTCCTAGTGCTGTCTATGTGTGTGGGGAACATCGG
  T  K  R  R  I  R  P  S  A  V  Y  V  C  G  E  H  R>
_____GPR63_____>

      >XhoI      >XbaI
      |      |
      1310      1320      1330      1340      1350
ACGGTGGTGTGACTCGAGTCTAGATGACTAACTATAGTGTACCTAAATC
  T  V  V  *>
_____>

      1360      1370
GTATGTCCCTTTAGTGAGGGTAAT

```